

# INFLUNEWS

## Sorveglianza delle sindromi simil-influenzali in Lombardia Stagione 2022-2023

Dalla settimana 46/2022 partono le attività di sorveglianza della rete InluNet&RespiVirNet, la sorveglianza delle sindromi simil-influenzali. Coordinata dal Ministero della Salute, la rete InluNet&RespiVirNet si avvale della collaborazione dell'Istituto Superiore di Sanità (ISS), dei medici di medicina generale e pediatri di famiglia, dei laboratori di riferimento per l'influenza e degli Assessorati regionali alla Sanità. Poiché la sintomatologia riferibile ad infezione da virus influenzali è paragonabile a quella causata da altri virus respiratori, come recentemente indicato dagli organismi internazionali WHO/ECDC (<https://www.who.int/europe/publications/i/item/WHO-EURO-2022-5841-45606-65427>), la rete InluNet&RespiVirNet si pone l'obiettivo di effettuare, sullo stesso tampone, la ricerca dei virus influenzali, di SARS-CoV-2 e di altri virus respiratori, tra i quali il virus respiratorio sinciziale (RSV), i Rhinovirus, i virus Parainfluenzali, gli Adenovirus, i Metapneumovirus e gli Enterovirus. I risultati della sorveglianza delle sindromi simil-influenzali a livello regionale sono rielaborati ogni settimana dal laboratorio di riferimento regionale per la sorveglianza virologica dell'influenza e COVID-19 (Dipartimento di Scienze Biomediche per la Salute, Università degli studi di Milano, responsabile prof. Elena Pariani) e sono illustrati nel seguente documento. Con deliberazione XI/5154 del 02/08/2021 la sorveglianza delle sindromi simil-influenzali in Lombardia è stata estesa all'intero anno solare.

### Settimana 02 - 2023 (9 – 15 gennaio 2023)

#### Sorveglianza epidemiologica

Durante la seconda settimana del 2023, 214 medici sentinella hanno inviato dati circa la frequenza di sindromi influenzali tra i propri assistiti. L'incidenza totale delle sindromi simil-influenzali è simile a quella della settimana scorsa con un valore di **9,4 casi per 1000 assistiti**, attestandosi così a un livello di attività media (Figura 1).

L'incidenza è in lieve decrescita nella fascia d'età 0-4 anni (18,2‰) e negli over-65enni (6,8‰), ed è rimasta pressoché invariata rispetto alla settimana precedente nella fascia d'età 5-14 anni (7,2‰) e nella fascia d'età 15-64 anni (9,9‰) (Figura 2).

Il numero di casi stimati di ILI in Lombardia in questa settimana è di circa 101.000, per un totale di quasi due milioni di casi dalla settimana 40-2022 ad oggi

#### Sorveglianza virologica

Nella settimana 02-2023, i medici sentinella della regione Lombardia hanno inviato 71 tamponi naso-faringei, di cui 8 (11%) sono risultati positivi per virus influenzale di tipo A, di cui 5 A(H3N2) e 3 A(H1N1)pdm09. RSV è stato identificato in 10 (14%) campioni e SARS-CoV-2 in 1 (1,4%) campione (Figura 3).

Dalla settimana 31-2022 a oggi, i medici sentinella della regione Lombardia hanno inviato 1129 tamponi naso-faringei, 353 (31,3%) dei quali sono risultati positivi per virus influenzale A(H3N2), 20 (1,8%) per A(H1N1)pdm09, 3 (0,3%) per virus influenzale di tipo B (lineage B/Victoria), 137 (12,1%) per RSV e 68 (6%) per SARS-CoV-2 (Figura 4).

Nella settimana 02-2023 l'indagine molecolare estesa agli altri virus respiratori ha mostrato la presenza di Rhinovirus nel 17% dei tamponi analizzati, Metapneumovirus nel 9%, Adenovirus nel 7% virus Parainfluenzali nel 4% e Parechovirus nell'1%.

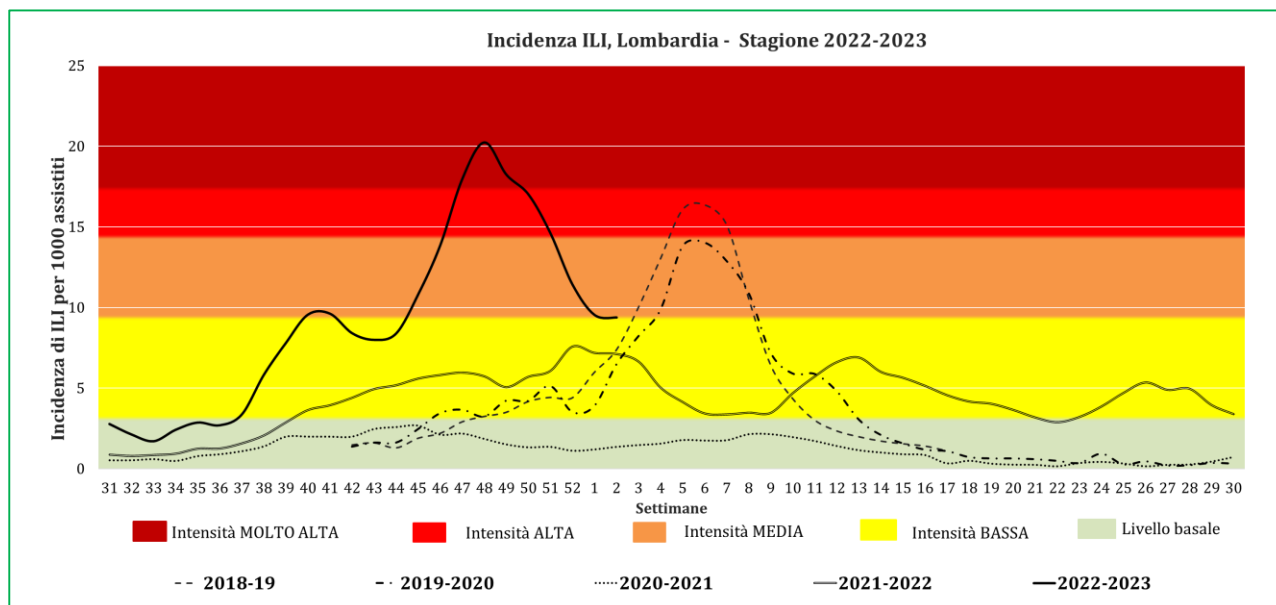
Complessivamente, dalla settimana 31-2022 ad oggi, i tamponi naso-faringei analizzati sono risultati positivi per Rhinovirus nel 20% dei casi, virus Parainfluenzali nel 9%, Enterovirus nel 8%, Adenovirus nel 6%, Parechovirus e Metapneumovirus nel 3%. Le percentuali di positività per virus per settimana sono rappresentate nella [Figura 5](#).

Nella [Figura 6](#) sono mostrate le percentuali di positività per virus per fascia d'età.

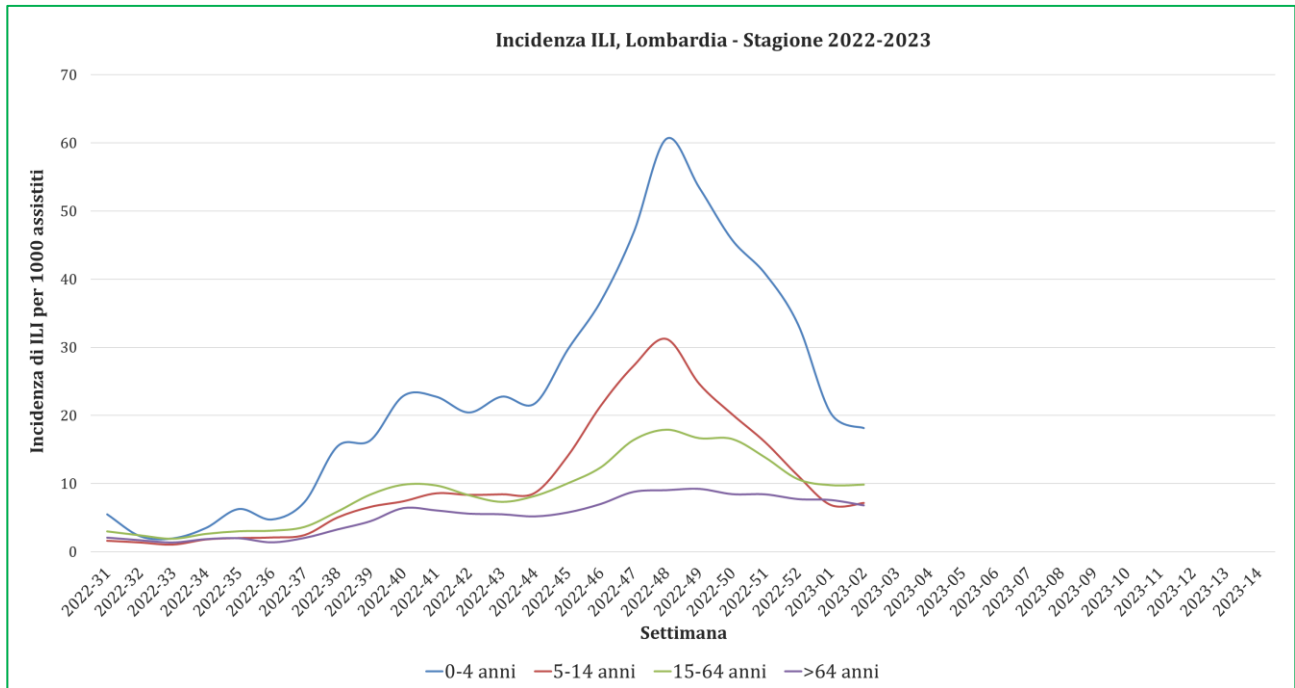
L'analisi filogenetica delle sequenze dei virus A(H3N2) identificati – ceppo prevalente in questa epidemia - ne dimostra l'appartenenza al sottoclade 3C.2a1, lo stesso del ceppo A/Darwin/6/2021(H3N2) incluso nella composizione vaccinale per la stagione 2022-2023 ([Figura 7](#)). Tutte le sequenze A/Milano(H1N1)pdm09 appartengono al clade 6B, sotto-clade 6B.1A, segregando ulteriormente nel sottogruppo genetico 6B.1A.5a.2, al quale appartiene anche il ceppo vaccinale per la stagione 2022/2023 (A/Victoria/2570/2019) ([Figura 8](#)). Il virus influenzale B/Victoria ad oggi sequenziato segrega nel sottogruppo genetico V1A.3a.2, così come il ceppo vaccinale B/Austria/1359417/2021 (incluso nella composizione vaccinale 2022/2023) ([Figura 9](#)).

I risultati di caratterizzazione molecolare dei campioni risultati positivi per SARS-CoV-2 dimostrano l'appartenenza alla variante Omicron, in particolare al lineaggio BA.5, BF.7 e BQ.1, quest'ultima identificata in oltre il 40% dei campioni sequenziati. Nell'ultima settimana è stata identificata la variante XBB.1.5 ([Figura 10](#)).

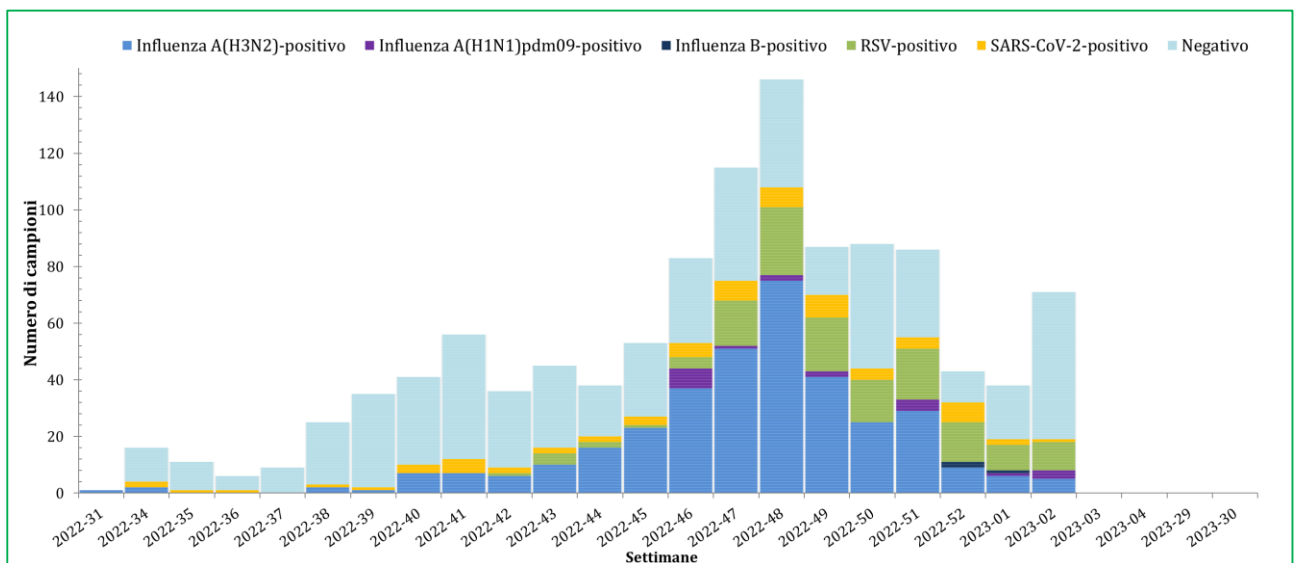
**Figura 1.** Dati di morbosità di sindrome simil-influenzale in Lombardia, stagione 2022-2023 - ultimo aggiornamento InfluenzaNet del 19-01-2023. Per il calcolo delle soglie epidemiche è utilizzato il metodo Moving Epidemic Method (MEM) sviluppato dall'ECDC. Le soglie della stagione in corso per l'Italia sono: 3,16 casi per mille assistiti (livello basale), 9,37 (intensità bassa), 14,37 (intensità media), 17,36 (intensità alta), oltre 17,36 (intensità molto alta).



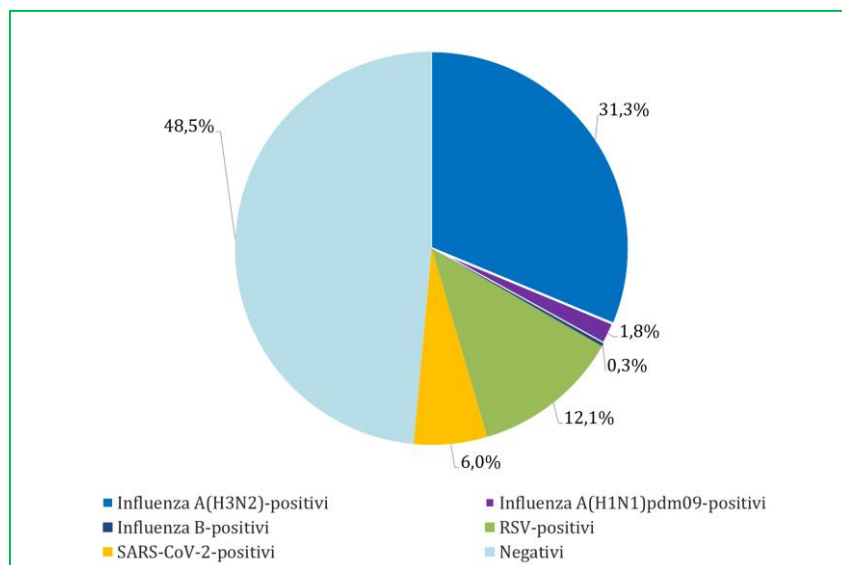
**Figura 2.** Dati di morbosità di sindrome simil-influenzale per classi di età in Lombardia, stagione 2022-2023 - ultimo aggiornamento InFluNet del 19-01-2023.



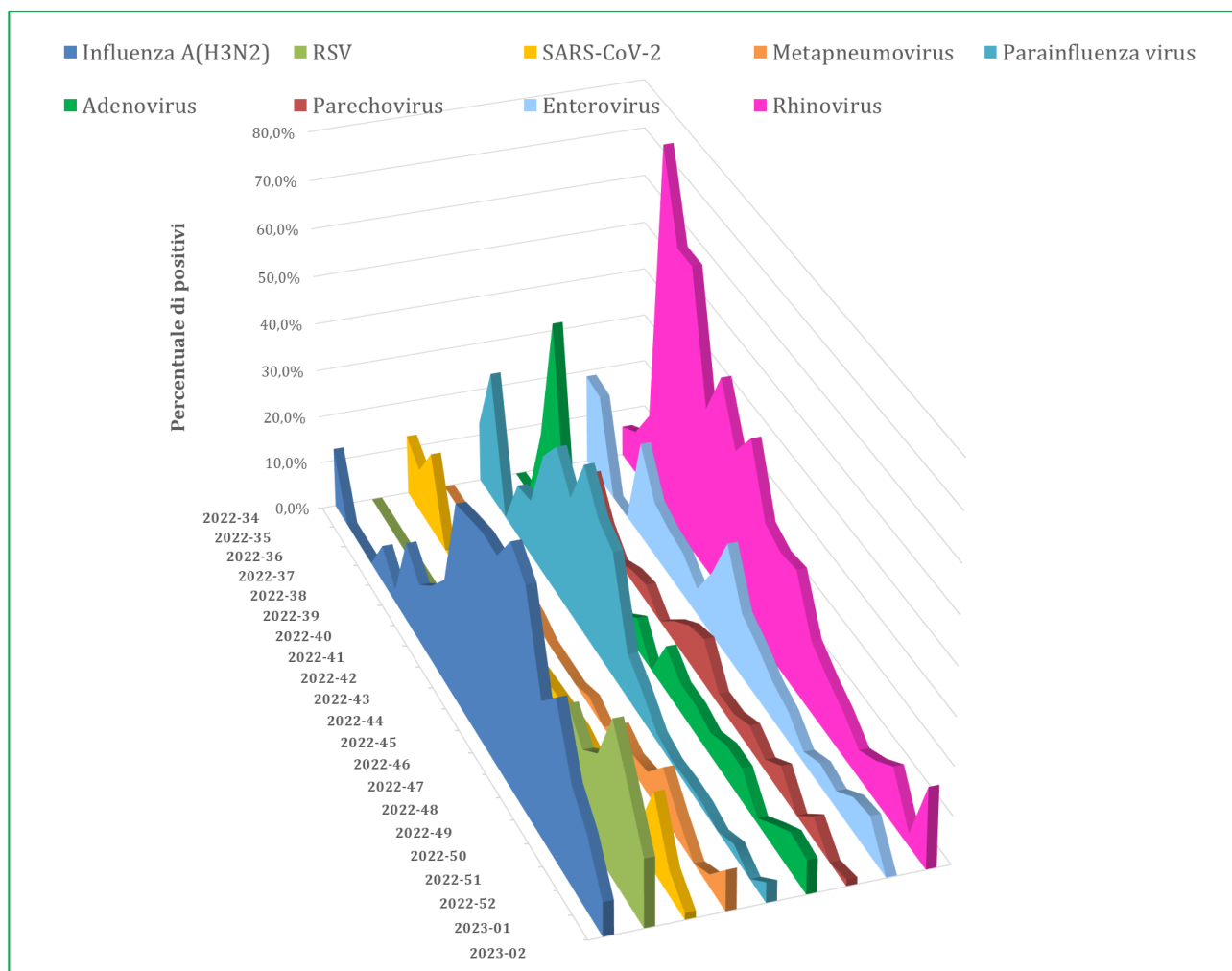
**Figura 3.** Numero di campioni respiratori inviati dai medici sentinella e numero di campioni positivi per virus influenzali, SARS-CoV-2 e virus respiratorio sinciziale (RSV) per settimana, stagione 2022-2023, Lombardia (aggiornamento 19-01-2023).



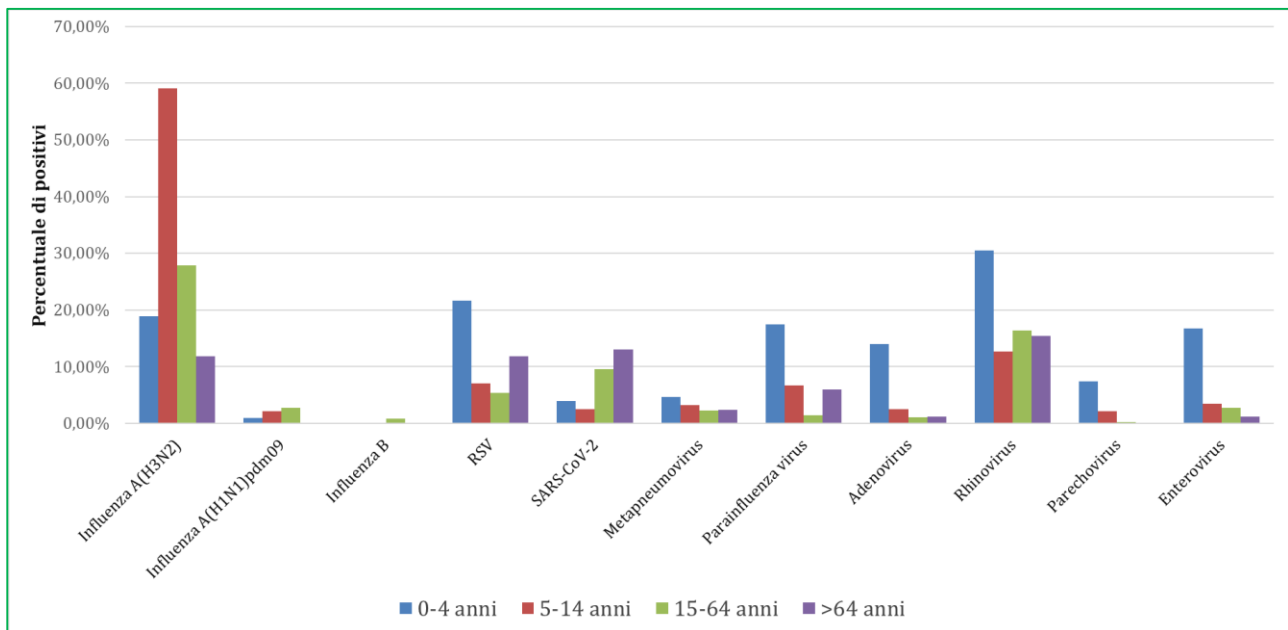
**Figura 4.** Percentuale di campioni risultati positivi per virus influenzali, SARS-CoV-2 e RSV, stagione 2022-2023, Lombardia (aggiornamento 19-01-2023).



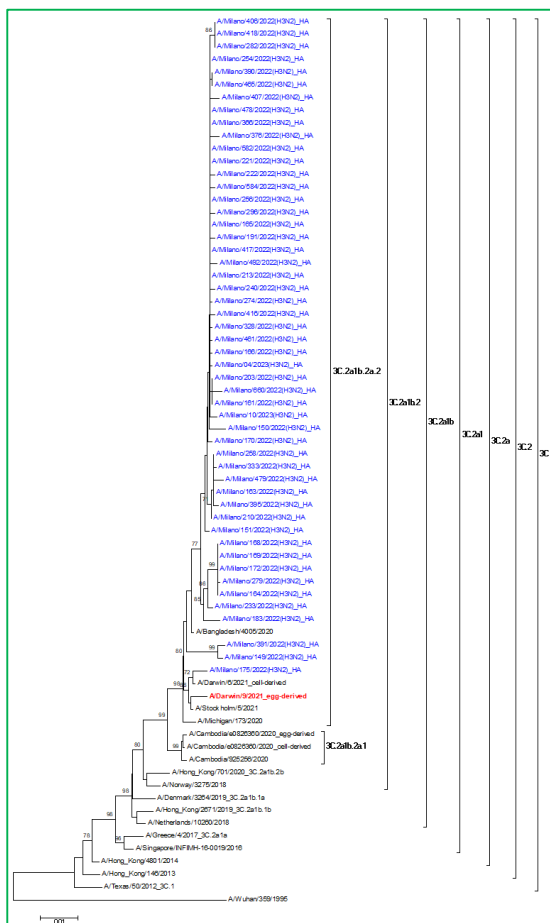
**Figura 5.** Percentuale di campioni positivi per settimana per virus, stagione 2022-2023, Lombardia (aggiornamento 19-01-2023).



**Figura 6.** Percentuale di campioni positivi per virus e per fascia d'età, stagione 2022-2023, Lombardia (aggiornamento 19-01-2023).



**Figura 7.** Albero filogenetico delle sequenze del gene codificante per emoagglutina (HA) dei virus influenzali A(H3N2), identificati a partire dalla settimana 31-2022, Lombardia (aggiornamento 19-1-2023). In rosso il ceppo vaccinale A/Darwin/9/2021(H3N2) incluso nella composizione vaccinale per la stagione 2022-2023.





---

Per ulteriori informazioni relative al quadro complessivo italiano, si rimanda ai report settimanali di InluNet:  
<https://w3.iss.it/site/RMI/influnet/pagine/rapportoInflunet.aspx>

Per quanto riguarda i dati europei, si rimanda ai report settimanali di “Flu News Europe”:  
<http://www.flunewseurope.org/>